Reunião 26/07/2024

Tema: modelos de aprendizado de máquina não supervisionados (foco C-Means). Inclui métricas para avaliação de desempenho e visualização de regras de agrupamento. Comparação com resultados obtidos em trabalhos anteriores.

Foco da semana: elaborar um tutorial com um panorama geral sobre modelos não supervisionados para agrupamento, com foco no C-Means. Estudar também o K-Means e o Mean-Shift (ambos disponíveis na ScikitKLearn). Explorar métricas de desempenho. Ler o artigo (no drive) que utiliza árvores de decisão para explicação das regras de agrupamento e explorar outras ferramentas, inclusive gráficas, para apresentação das regras aplicadas pelos modelos no processo de agrupamento. Lembrar de já ir documentando as referências dos artigos e outros materiais utilizados na pesquisa.

Algumas referências:

[C-Means Clustering Explained | Built In](https://builtin.com/data-science/c-means#:~:text=What%20Is%20C%2DMeans%20Clustering,for%20being%20in%20that%20cluster.)

[Understanding Fuzzy C Means Clustering (analyticsvidhya.com)](https://www.analyticsvidhya.com/blog/2024/05/understanding-fuzzy-c-means-clustering/)

[Fuzzy C-Means Clustering (FCM) Algorithm | by Aman Gupta | Geek Culture | Medium](https://medium.com/geekculture/fuzzy-c-means-clustering-fcm-algorithm-in-machine-learning-c2e51e586fff)

===================================

Reunião 10/08/2024

Tarefas:

1. Revisar o recorte do projeto de tese sobre a metodologia aplicada, os parâmetros utilizados nos modelos de agrupamento e as métricas para avaliação dos modelos. Observe que eu usei essas métricas pq estamos tratando de modelos não supervisionados - nos seus testes com as bases Iris e Titanic, você deve usar métricas para modelos supervisionados. Depois que decidirmos sobre quais modelos vamos aplicar nos dados de saúde é que vamos aplicar as métricas que eu usei;
2. Olhar o notebook que eu gerei (está no drive) e repetir para os modelos K-Means, Mean Shift, C-means e DBSCAN (Não vamos usar por agora o GMM) comparando os resultados sobre as bases de dados Iris e Titanic;
3. Montar uma apresentação explicando cada modelo, aplicações, vantagens e desvantagens, hiperparâmetros com possíveis valores, valores utilizados no exemplo com justificativas e resultados alcançados;

Tarefa extra (se der tempo): aplicar os modelos sobre o .csv de saúde e analisar os resultados alcançados considerando as métricas de modelos não supervisionados. Explicar os grupos gerados.

Reunião 23/08/2024

Tarefas: testar os algoritmos de agrupamento sobre os arquivos .csv (ureia.csv e creatinina.csv). Passos sugeridos:

Passo1: completar cada .csv com os dias faltantes no período de 1 até 7 (coluna day) e eliminar as linhas com day > 7.

Passo2: juntar em um único .csv considerando a igualdade das colunas subject\_id e day.

|  |  | Perfil Hepático | |
| --- | --- | --- | --- |
|  |  | Ureia.csv | Creatinina.csv |
| subject\_id | Dia | UreiaMax | CreatininaMax |
| P1 | 1 | 30 | 45 |
| P1 | 2 | 40 | NULL |
| P1 | 3 | NULL | 60 |
| P1 | 4 | NULL | NULL |
| P1 | 5 | NULL | NULL |
| P1 | 6 | 50 | 70 |
| P1 | 7 | 30 | 20 |

Passo3: transpor as linhas para colunas com o objetivo de ter 1 paciente por linha.

| subject\_id | U1 | U2 | U3 | U4 | U5 | U6 | U7 | C1 | C2 | C3 | C4 | C5 | C6 | C7 |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| P1 | 30 | 40 | NULL | NULL | NULL | 50 | 30 | 45 | NULL | 60 | NULL | NULL | 70 | 20 |